Ciências Biológicas

# Certificação do número cromossômico de acessos de Urochloa humidicola (Rendle) MORRONE & ZULOAGA

Isadora Cardoso Soares - 3º período de Ciências Biológicas (Bacharelado), UFLA, Iniciação científica.

Ana Gabriela Damasceno - Mestranda em Genética e Melhoramento de Plantas UFLA

Sanzio Carvalho Lima Barrios - Pesquisador Embrapa Gado de Corte, Campo Grande-MS

Cacilda Borges do Valle - Pesquisadora Embrapa Gado de Corte, Campo Grande-MS

Vânia Helena Techio - Orientadora, DBI, UFLA - Orientador(a)

**Resumo**

Urochloa P. Beauv. [Sin. Brachiaria (Trin.) Griseb.] é um gênero pertencente à família Poaceae, que reúne, aproximadamente, 135 espécies distribuídas em países tropicais e subtropicais, sendo a África considerada seu centro de origem. O gênero é amplamente cultivado como forrageira no Brasil e apresenta grande importância econômica na criação de bovinos para corte e produção de leite. Devido a sua ampla distribuição e boa adaptação ao clima e solo brasileiros, algumas espécies de Urochloa têm sido empregadas em programas de melhoramento que visam, entre outros, a realização de cruzamentos inter e intraespecíficos. Nesse contexto, a citogenética tem se mostrado uma ferramenta fundamental para a concretização desses programas, visto que ela fornece informações essenciais, como o número cromossômico e nível de ploidia. Portanto, o objetivo do presente trabalho foi realizar a certificação do número cromossômico dos acessos H16, H30, H125, H126 e H108 de Urochloa humidicola (Rendle) MORRONE & ZULOAGA. O material vegetal foi cedido pela Embrapa Gado de Corte Campo Grande – MS e mantido em vasos, em casa de vegetação. Para a análise citogenética, as raízes foram coletadas e pré- tratadas com ciclohexamida (0.0025%) por 2h para a obtenção de C-metáfases. Posteriormente, as raízes foram fixadas em solução de metanol/ácido acético (3:1) e submetidas à digestão com mix enzimático. As lâminas foram confeccionadas por meio da técnica de dissociação celular e secagem ao ar. A avaliação das lâminas foi feita em microscópio de luz e aquelas contendo as melhores metáfases foram selecionadas e aplicadas 9 $\mu$L de Vectashield com 4',6-diamidino-2-fenilindol (1.5$\mu$g/mL). Após a avaliação, confirmou-se os seguintes números cromossômicos: 2n=6x=36 para o acesso H16, 2n=7x=42 para H30, H125 e H126 e 2n=9x=54 para H108, corroborando com o número básico de x=6 descrito na literatura para a espécie. Os resultados aqui obtidos servirão de base para futuros estudos, os quais devem buscar o detalhamento do cariótipo desses acessos, bem como suas relações filogenéticas com outras espécies de Urochloa.

Palavras-Chave: Brachiaria, Germoplasma, Poliploidia.
Instituição de Fomento: Capes, CNPq, Fapemig.

Link do pitch: https://youtu.be/vx-9ksso390